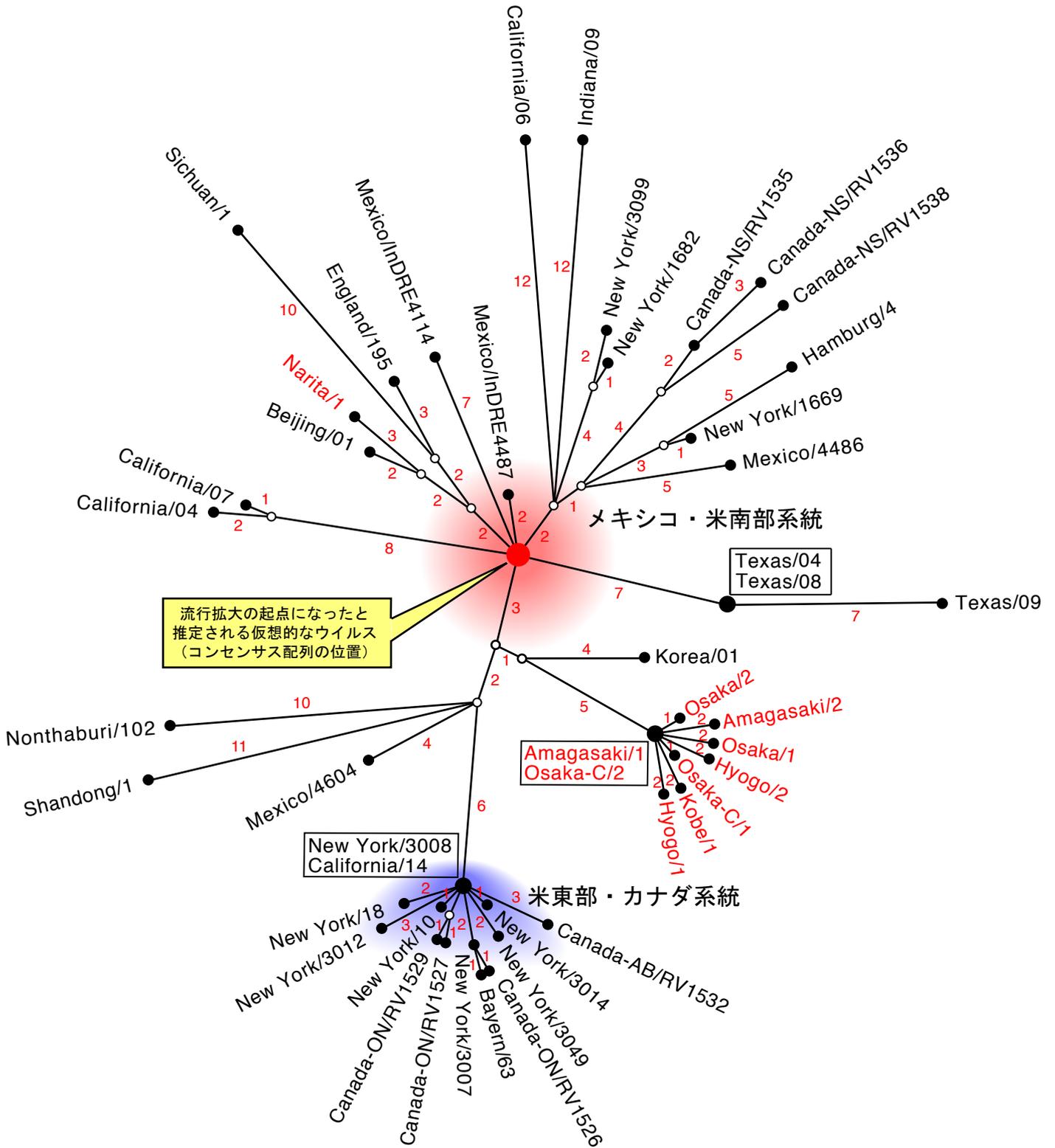


新型インフルエンザウイルスの推定家系図



・ ゲノムのほぼ全長が解析されている海外株37株、成田検疫株1株、兵庫・大阪株9株について、最尤法による系統推定を行った。
 ・ 赤色の数字はそれぞれの株 (白丸で示した仮想的な株を含む) の間での塩基の置換数を示す。